Карта учебно-методической обеспеченности дисциплины

Рискового менеджемента трансгенов

Преподаватель –проф. Кенжебаева С.С.

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| № | Наименование дисциплины | Авторы и название учебника | Количество в библиотеке КазНУ имени аль-Фараби | Количество после 2000 года |
| основная | дополнительная | основная | дополнительная |
| каз. | рус. | каз. | рус. | каз. | рус. | каз. | рус. |
|  | Молекулярно-генетические маркеры  | **Основная:**1. Е.К. Хлесткина Молекулярные методы анализа структурно-функциональной организации генов и геномов высших растений. Вавиловский журнал генетики и селекции, 2011, Том 15, № 4. 757-767.
2. Хлесткина Е.К., Салина Е.А. SNP-маркеры: методы анализа, способы разработки и сравнительная характеристика на примере мягкой пшеницы //Генетика. 2006. T. 42. C. 725–736.
3. Ребриков Д.В., Саматов Г.А., Трофимов Д.Ю. и др. ПЦР в реальном времени. М.: БИНОМ. Лабора­тория знаний, 2009. 215 с.
4. Himi E., Noda K. Isolation andlocation ofthree homoeologous dihydroflavonol-4-reductase (DFR) genes ofwheat andtheir tissue-dependent expression //J. Exp. Bot. 2004. V. 55. P. 365–375.
5. Kalendar R., Schulman A.H. IRAP andREMAP for retrotransposon-basedgenotypingandfingerprinting//Nat. Protoc. 2006. V. 1. P. 2478–2484.
6. Khlestkina E.K., Röder M.S., Salina E.A. Relationship between homoeologous regulatoryandstructural genes in allopolyploidgenome – a case studyin breadwheat //BMC Plant Biol. 2008. V. 8. P. 88.
7. Landjeva S., Korzun V., Börner A. Molecular markers: actual andpotential contributions to wheat genome characterization andbreeding//Euphytica. 2007. V. 156. P. 271–296.
8. Дивашук М.Г., Климушина М.В., Карлов Г.И. Молекулярно-генетическая характеристика аллеля *Wx-*B*1е*мягкой пшеницы и применимость ДНК маркеров для его идентификации //Генетика. 2011. Т. 47. № 12. С. 1–5.
9. Конов А. Л., Голиков А.Г. Скрябин К.Г. Генетически модифицированные растения: реальные и мифические риски. Рос. Хим журнал, 2005, т. XLIX, № 4, стр. 84-91.
10. S. Ravi Rajan and Deborah K. Letourneau. What Risk Assessments of GeneticallyModified Organisms Can Learn fromInstitutional Analyses of Public Health Risks. Review Article. J. of Biomedicine and Biotechnology. Volume 2012, Article ID 203093, 8 pages

**Дополнительная:**1. 1. Himi E., Noda K. Isolation andlocation ofthree homoeologous dihydroflavonol-4-reductase (DFR) genes ofwheat andtheir tissue-dependent expression //J. Exp. Bot. 2004. V. 55. P. 365–375.
2. 2. Л.А. Беспалова, А.В. Васильев, И.Б. Аблова и др. Применение молекулярных маркеров в селекции пшеницы в Краснодарском НИИСХ им. П.П. Лукьяненко.

 Вавиловский журнал генетики и селекции, 2012, Том 16, № 1, 37-45.1. Дивашук М.Г., Климушина М.В., Карлов Г.И. Молекуляр­но-генетическая характеристика аллеля *Wx-*B*1е*мягкой пшеницы и применимость ДНК маркеров для его идентификации //Генетика. 2011. Т. 47. № 12. С. 1–5.
2. Bonnett D.G., Rebetzke G.J., Spielmeyer W. Strategies for efficientimplementation of molecular markers in wheatbreeding//Mol. Breeding. 2005. V. 15. Р. 75–85.
3. Buerstmayr H., Ban T., Anderson J.A. QTLmappingandmarker-assistedselection for Fusarium headblightresist­ance in wheat: a review//PlantBreeding. 2009. V. 128. P. 1–26.
4. DubcovskyJ. Marker-assistedselection in publicbreedingprograms: the wheatexperience //CropSci. 2004. V. 44. P. 1895–1898.
 |  |  |  | 11 |  | 11 |  | 11 |